



Характерные преимущества

Модуль масс-спектрометрии

- Твердотельный лазер с длительным сроком службы 2000 Гц, не требующий замены в течение всего срока службы, при этом частота и срок службы лазера в 30 раз выше, чем у азотного лазера.
- Запатентованная технология извлечения ионов с двойной импульсной задержкой улучшает разрешение во всем диапазоне масс.
- Линзовый модуль с высокой эффективностью пропускания с плавно регулируемым размером и энергией лазерного пятна.
- Небольшой угол падения лазера ($\leq 5^\circ$) позволяет уменьшить начальную дисперсию ионов и улучшить разрешение и чувствительность.
- Удобная и быстрая интеллектуальная вакуумная система с высокой скоростью накачки для получения сигналов при входе в цель.
- Модульная конструкция со встроенным насосом в передней части обеспечивает компактность системы и простоту обслуживания.

Программная система

- Широкая база данных авторизована Центром по Контролю и Профилактике Заболеваний. Многолетний опыт исследований с более чем 3 500 видов и 68 000 штаммов позволяет выполнять задачи детектирования в различных областях.
- Программное обеспечение включает в себя все необходимые функции для максимального удобства эксплуатации: управление системой; сбор данных; идентификация и анализ. ПО свободно переключается между несколькими базами данных.
- Простое управление базами данных. При возникновении необходимости пользователь может свободно создавать, редактировать и расширять базы данных по своему усмотрению.

Области применения



Филиалы:

«МИЛЛАБ Санкт-Петербург»

г. Санкт-Петербург,
Т: +7 (812) 612-99-80
spb@millab.ru

«МИЛЛАБ Урал»

г. Екатеринбург,
Т: +7 (343) 287-29-14
ekb@millab.ru

«МИЛЛАБ Юг»

г. Краснодар,
Т: +7 (861) 201-14-27
south@millab.ru

«МИЛЛАБ Сибирь»

г. Новосибирск,
Т: +7 (383) 363-09-00
sibir@millab.ru

«МИЛЛАБ»

127247, Москва,
Дмитровское ш., д. 100, стр. 2,
бизнес-центр «Норд Хаус»,
Т: +7 (495) 933-71-47
info@millab.ru

www.millab.ru

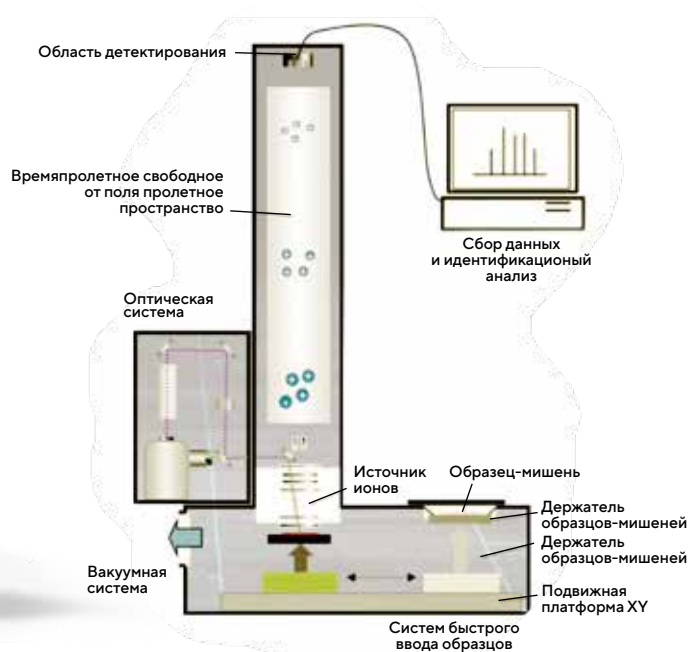


**Автоматическая
масс-спектрометрическая система
идентификации микроорганизмов
CMI-1600**



Автоматическая масс-спектрометрическая система идентификации микроорганизмов CMI-1600 – это система масс-спектрометрического детектирования, являющаяся независимой разработкой компании Nexin Kangyuan.

По сравнению с традиционной технологией идентификации микроорганизмов масс-спектрометрический метод обладает неоспоримыми преимуществами, такими как высокая скорость идентификации и точность результатов, а также низкие затраты эксплуатации.



Технические характеристики

Лазер	
Тип	Твердотельный лазер
Длина волны	343 нм
Частота	1-2000 Hz
Срок службы	$>2 \times 10^9$ выстрелов
Вакуумная система	
Мембранный насос	1,8 м ³ /ч, 1,0 Па
Турбо-молекулярный насос	260 л/сек, 1×10^{-5} Па
Микроканальная пластина (MCP Detector)	
Полезная площадь	Ф 27 мм
Время отклика	1,3 нсек (FEM)
Масс-спектрометр	
Анализатор масс	Линейный TOF, положительный режим
Расстояние полёта ионов	около 1000 мм
Диапазон масс	0,03-199 кДа
Точность массы	Внутренний стандарт (ISTD): < 150 ppm (белки) Внешний стандарт (ESTD): < 200 ppm (белки)
Чувствительность	500 фмоль БСА (BSA), S/N 50:1
Стандартное отклонение	$\leq 0,015\%$
Стабильность массы	$\leq \pm 300$ ppm
Разрешение	Белки: $m/z 1,619.8 > 2,000$ FWHM (Полная ширина на уровне половины высоты) Белки: $m/z 44,613 > 450$ FWHM ≥ 400 для Инсулина ($m/z 5,734$) ≥ 600 для Миоглобина M2+ ($m/z 8,476$) ≥ 700 для Цитохрома ($m/z 12,361$) ≥ 800 для Миоглобина ($m/z 16,952$)
Микробная база данных и функции программного обеспечения	
База данных	Более 397 родов, 2500 видов и 10 000 штаммов, охватывающих различные микроорганизмы в клинической, экологической, пищевой, растительной, морской и других областях.
Функции программного обеспечения	Усовершенствованное программное обеспечение функционального анализа, которое может реализовать различные функции обработки данных, сравнение спектрального сходства, кластерный анализ, анализ главных компонентов, анализ гомологии, подключение к системе ЛИС и т. д.
Пропускная способность обнаружения	До 96 образцов менее чем за 12 минут
Скорость обнаружения	6-8 образцов в минуту
Дополнительные модули	1. Может быть оснащен функциональным модулем обнаружения масс-спектрометрии нуклеиновых кислот. 2. Может предоставить программное обеспечение для классификации алгоритмов машинного обучения. 3. Может предоставить рекомендации по количественному обнаружению гликозилированного гемоглобина.